

## Plan Overview

---

*A Data Management Plan created using DMPTool*

**DMP ID:** <https://doi.org/10.48321/D1JH1G>

**Title:** Terapia coadjuvante no câncer de próstata: Análise celular e molecular da resposta inflamatória e angiogênica em linhagens celulares tumorais humanas e nos estágios inicial e tardio das lesões no modelo transgênico/TRAMP.

**Creator:** Valeria Quitete - ORCID: [0000-0001-5331-7376](https://orcid.org/0000-0001-5331-7376)

**Affiliation:** Non Partner Institution

**Funder:** São Paulo Research Foundation (fapesp.br)

**Funding opportunity number:** 2021 021080

**Grant:** 2021 021080

**Template:** Digital Curation Centre

### **Project abstract:**

Prostatic cancer is the second highest type of cancer around of the world. Processes related to pathogenesis and progression of prostatic cancer such as inflammation and angiogenesis are pointed out as being fundamental factors for lesion development, leading to the repetition of tissue damage and regeneration and to glandular microenvironment imbalance. Thus, these processes are important therapeutic targets. Tempol has been shown to be a promising coadjuvant treatment in different cancer types, showing a direct effect on the inflammatory process and cellular oxidative stress and neoangiogenesis. However, there are many queries about the Tempol response on the prostate. The aim of this study is to evaluate the Tempol treatment effects on the inflammatory and angiogenic responses of the prostatic microenvironment in vivo and in vitro. To do this, the characterization in vitro of the human tumoral cellular lineage responses (LnCaP, PC3 e PNT1A) in the Tempol treatment will be evaluated by means of cellular viability; western blotting; gene expression (RT-PCR and PCR array); and oxygen and nitrogen reactive species present in the cell culture. Also, the in vivo evaluation of the prostatic ventral and dorsolateral lobes from TRAMP mice will be verified in two cancer progression degrees: first in 8-12 week old mice and secondly in 16-20 week old mice, both treated with 50mg/kg Tempol dose daily for 4 weeks. After the end of the treatment, the prostatic ventral and dorsolateral lobes will be processed for histopathological, immunohistochemical, gene expression (RT-PCR), and Western Blotting evaluation. In addition, taking into consideration the target-gene chosen for the inflammation and angiogenesis vias, possible miRNAs will be identified by means of biocomputing tools verifying if there are changes due to the treatment. Then, the profile of the expression of these small tumoral human lineage markers, as well as the prostatic tissue

in the TRAMP model will be evaluated.

**Start date:** 03-10-2021

**End date:** 07-31-2023

**Last modified:** 01-19-2024

**Copyright information:**

The above plan creator(s) have agreed that others may use as much of the text of this plan as they would like in their own plans, and customize it as necessary. You do not need to credit the creator(s) as the source of the language used, but using any of the plan's text does not imply that the creator(s) endorse, or have any relationship to, your project or proposal

---

## **Terapia coadjuvante no câncer de próstata: Análise celular e molecular da resposta inflamatória e angiogênica em linhagens celulares tumorais humanas e nos estágios inicial e tardio das lesões no modelo transgênico/TRAMP.**

Dados coletados: provenientes do tecido prostático (lobos ventral e dorsolateral) do modelo de camundongos transgênicos para o adenocarcinoma de próstata e processados para as técnicas de histopatologia tecidual, imunohistoquímica, Western Blotting, ELISA, ensaios de atividades enzimática e molecular (RT-PCR). Além de linhagens celulares cancerígenas ou não humanas (PC-3, LnCaP, PTN1A). Os dados estarão relacionados aos processos celulares de inflamação, estresse oxidativo, proliferação celular, angiogênese, podendo estar em formato de imagem ou medidas (quantificações) realizadas. Além disso, serão obtidos dados in silico para descrição das vias de inflamação do NFkB e de angiogênese do VEGF, processados a partir de bases de dados disponíveis como Genetools, Keeg, DAVID e predição de miRNAs relacionados, por meio de ferramentas como TargetScan, miRWalk.

O padrão de metadados a ser seguido será o Dublin Core.

Serão anotados os metadados mínimos de: Autor, título, resumo, palavras-chave, agência financiadora, número do projeto financiado, número de artigos científicos produzidos, revistas de publicação.

Os dados desse projeto serão coletados a partir de uso de animais de laboratório e cultura de células. O projeto foi, portanto, submetido ao Comitê de Ética na Utilização de Animais e sua aprovação está registrada sob o protocolo 2019/5115-1, adendo 2020/5115-1(A) e 2020/5503-1.

Os dados estarão sob guarda da instituição por questões de propriedade intelectual e serão disponibilizados após publicação em periódicos científicos especializados e/ou depósito da tese.

Os arquivos serão armazenados em

1. DOC/DOCX, para textos;
2. XLS/XLSL, para planilhas eletrônicas;
3. JPEG/TIFF/PNG, para imagens de material biológico.

Question not answered.

Os arquivos serão mantidos no Google Drive do pesquisador, durante a realização da pesquisa.

Após a pesquisa, os dados estarão disponíveis no repositório da UNICAMP e seguirão as políticas de preservação, backup e arquivamento da universidade.

Question not answered.

Os dados serão publicados em revistas especializadas da área e ou dissertação e teses relacionados a programas de pós-graduação de excelência junto a CAPES.

Não há.

Question not answered.

Question not answered.

